

履歴書

作成日: 平成 26 年 (2014 年) 04 月 17 日

名前: 伊原 健太郎 (いはら けんたろう)

現所属: 〒230-0045 神奈川県横浜市鶴見区末広町 1-7-22 中央棟 1 階 C106
独立行政法人理化学研究所 ライフサイエンス技術基盤研究センター(CLST)
構造・合成生物学部門(SSB) 構造生物学グループ タンパク質機能・構造研究チーム
電話: 045-503-9475 (内線 5183) Fax: 045-503-9473
E-mail: kentaro.ihara@riken.jp

学歴:

平成 02 年(1990 年) 4 月 01 日 京都大学農学部農芸化学科入学
平成 06 年(1994 年) 3 月 31 日 京都大学農学部農芸化学科卒業
平成 06 年(1994 年) 4 月 01 日 奈良先端科学技術大学院大学バイオサイエンス研究科博士前期課程入学
平成 08 年(1996 年) 3 月 24 日 奈良先端科学技術大学院大学バイオサイエンス研究科博士前期課程修了
平成 08 年(1996 年) 4 月 01 日 奈良先端科学技術大学院大学バイオサイエンス研究科博士後期課程進学
平成 11 年(1999 年) 3 月 24 日 奈良先端科学技術大学院大学バイオサイエンス研究科博士後期課程学位取得修了

職歴:

平成 10 年(1998 年) 4 月 01 日 奈良先端科学技術大学院大学において日本学術振興会特別研究員に採用
平成 12 年(2000 年) 3 月 31 日 奈良先端科学技術大学院大学において日本学術振興会特別研究員を終了
平成 12 年(2000 年) 4 月 01 日 奈良先端科学技術大学院大学教務職員に採用
平成 12 年(2000 年) 5 月 31 日 奈良先端科学技術大学院大学教務職員を退職
平成 12 年(2000 年) 6 月 01 日 University of Texas Southwestern Medical Center at Dallas において、
Human Frontier Science Program, Long-term Fellow に採用
平成 15 年(2003 年) 5 月 31 日 University of Texas Southwestern Medical Center at Dallas において、
Human Frontier Science Program, Long-term Fellow を終了
平成 12 年(2000 年) 6 月 01 日 University of Texas Southwestern Medical Center at Dallas 博士研究員に採用
平成 15 年(2003 年) 8 月 31 日 University of Texas Southwestern Medical Center at Dallas 博士研究員を終了
平成 15 年(2003 年) 9 月 08 日 高エネルギー加速器研究機構研究員に採用
平成 24 年(2012 年) 6 月 30 日 高エネルギー加速器研究機構研究員を退職
平成 24 年(2012 年) 7 月 01 日 京都大学において研究員(産官学連携)に採用
平成 24 年(2012 年) 7 月 31 日 京都大学において研究員(産官学連携)を退職
平成 24 年(2012 年) 8 月 01 日 京都大学において特定研究員に採用
平成 26 年(2014 年) 3 月 31 日 京都大学において特定研究員を退職
平成 26 年(2014 年) 4 月 01 日 理化学研究所において研究員に採用

研究業績一覧

査読有りの雑誌で発表した論文

- (1) Tomoyuki Nishimoto, Hajime Yoshisue, Kentaro Ihara, Hiroshi Sakai and Tohru Komano (1994). Functional analysis of block 5, one of the highly conserved amino acid sequence in the 130 kDa CryIVA protein produced by *Bacillus thuringiensis* subsp. *israelensis*. *FEBS Letters* **348**, 249-254.
- (2) Hajime Yoshisue, Kentaro Ihara, Tomoyuki Nishimoto, Hiroshi Sakai, and Tohru Komano (1995). Cloning and characterization of a *Bacillus thuringiensis* homolog of the *spolIID* gene from *Bacillus subtilis*. *Gene* **154**, 23-29.
- (3) Hajime Yoshisue, Kentaro Ihara, Tomoyuki Nishimoto, Hiroshi Sakai, and Tohru Komano (1995). Expression of the genes for insecticidal crystal proteins in *Bacillus thuringiensis*: *cryIVA*, not *cryIVB*, is transcribed by RNA polymerase containing σ^H and that containing σ^E . *FEMS Microbiology Letters* **127**, 65-72.
- (4) Atsuki Toumoto, Toshiyuki Shimizu, Kentaro Ihara, Masato Shimizu, Yoshimasa Kyogoku, Nobuo Ogawa, Yasuji Oshima and Toshio Hakoshima (1997). Preliminary X ray studies of a new crystal form of PHO4-DNA complex. *Acta Crystallographica Section D* **53**, 103-104.
- (5) Toshiyuki Shimizu, Atsuki Toumoto, Kentaro Ihara, Masato Shimizu, Yoshimasa Kyogoku, Nobuo Ogawa, Yasuji Oshima and Toshio Hakoshima (1997). Crystal structure of PHO4 bHLH domain-DNA complex: flanking base recognition. *EMBO Journal* **16**, 4689-4697.
- (6) Kentaro Ihara, Sachiko Muraguchi, Masato Kato, Toshiyuki Shimizu, Masahiro Shirakawa, Shinya Kuroda, Kozo Kaibuchi and Toshio Hakoshima (1998). Crystal structure of human RhoA in a dominantly active form complexed with a GTP analogue. *Journal of Biological Chemistry* **273**, 9656-9666.
- (7) Ryoko Maesaki, Toshiyuki Shimizu, Kentaro Ihara, Shinya Kuroda, Kozo Kaibuchi and Toshio Hakoshima (1999). Biochemical and crystallographic characterization of a Rho effector domain of the protein serine/threonine kinase N in a complex with RhoA. *Journal of Structural Biology* **126**, 166-170.
- (8) Ryoko Maesaki, Kentaro Ihara, Toshiyuki Shimizu, Shinya Kuroda, Kozo Kaibuchi and Toshio Hakoshima (1999). The structural basis of Rho effector recognition revealed by the crystal structure of human RhoA complexed with the effector domain of PKN/PRK1. *Molecular Cell* **4**, 793-803.
- (9) Toshiyuki Shimizu, Kentaro Ihara, Ryoko Maesaki, Shinya Kuroda, Kozo Kaibuchi and Toshio Hakoshima (2000). An open conformation of switch I revealed by the crystal structure of a Mg^{2+} -free form of RhoA complexed with GDP: Implications for the GDP/GTP exchange mechanism. *Journal of Biological Chemistry* **275**, 18311-18317.
- (10) Kentaro Ihara, Toshiyuki Shimizu, Ryoko Maesaki, Kengo Okada, Mutsuki Amano, Kozo Kaibuchi and Toshio Hakoshima (2000). Crystallization and preliminary crystallographic analysis of the Rho-binding domain of bovine Rho-kinase. *Acta Crystallographica Section D* **56**, 1042-1044.
- (11) Toshiyuki Shimizu*, Kentaro Ihara*, Ryoko Maesaki, Mutsuki Amano, Kozo Kaibuchi and Toshio Hakoshima (2003). Parallel coiled-coil association of the RhoA-binding domain in Rho-kinase. *Journal of Biological Chemistry* **278**, 46046-46051. (*These authors contributed equally.)

- (12) Keisuke Hamada, Masato Kato, Toshiyuki Shimizu, Kentaro Ihara, Takeshi Mizuno and Toshio Hakoshima (2005). Crystal structure of the protein histidine phosphatase SixA in the multistep His-Asp phosphorelay. *Genes to Cells* **10**, 1-11.
- (13) Chung-I Chang, Kentaro Ihara, Yogarany Chelliah, Dominique Mengin-Lecreulx, Soichi Wakatsuki and Johann Deisenhofer (2005). Structure of the ectodomain of *Drosophila* peptidoglycan-recognition protein LCa suggests a molecular mechanism for pattern recognition. *Proceedings of the National Academy of Sciences of the United States of America* **102**, 10279–10284.
- (14) Masahiko Hiraki, Ryuichi Kato, Minoru Nagai, Tadashi Satoh, Satoshi Hirano, Kentaro Ihara, Norio Kudo, Masamichi Nagae, Masanori Kobayashi, Michio Inoue, Tamami Uejima, Shunichiro Oda, Leonard M. G. Chavas, Masato Akutsu, Yusuke Yamada, Masato Kawasaki, Naohiro Matsugaki, Noriyuki Igarashi, Mamoru Suzuki and Soichi Wakatsuki (2006). Development of an automated large-scale protein-crystallization and monitoring system for high-throughput protein-structure analyses. *Acta Crystallographica Section D* **62**, 1058-1065.
- (15) Michio Inoue, Tomoo Shiba, Kentaro Ihara, Yusuke Yamada, Satoshi Hirano, Hironari Kamikubo, Mikio Kataoka, Masato Kawasaki, Ryuichi Kato, Kazuhisa Nakayama and Soichi Wakatsuki (2007). Molecular basis for autoregulatory interaction between GAE domain and hinge region of GGA1. *Traffic* **8**,904-913.
- (16) Leonard Chavas, Seiji Torii, Hironari Kamikubo, Masato Kawasaki, Kentaro Ihara, Ryuichi Kato, Mikio Kataoka, Tetsuro Izumi and Soichi Wakatsuki (2007). Structure of Rab27b small GTPase shows an unexpected swapped dimmer. *Acta Crystallographica Section D* **63**, 769-779.
- (17) Leonard Chavas, Kentaro Ihara, Masato Kawasaki, Ryuichi Kato, Tetsuro Izumi and Soichi Wakatsuki (2008). Purification, crystallization and preliminary X-ray crystallographic analysis of Rab27a GTPase in complex with exophilin4/Slp2-a effector. *Acta Crystallographica Section F* **64**, 599-601.
- (18) Leonard Chavas, Kentaro Ihara, Masato Kawasaki, Seiji Torii, Tamami Uejima, Ryuichi Kato, Tetsuro Izumi and Soichi Wakatsuki (2008). Elucidation of Rab27 recruitment by its effectors: structure of Rab27a bound to Exophilin4/Slp2-a. *Structure* **16**, 1468-1477.
- (19) Tamami Uejima*, Kentaro Ihara*, Tatsuaki Goh, Emi Ito, Mariko Sunada, Takashi Ueda, Akihiko Nakano and Soichi Wakatsuki (2010). GDP-bound and nucleotide-free intermediates of the guanine nucleotide exchange in the Rab5-Vps9 system. *Journal of Biological Chemistry* **278**, 46046-46051. (*These authors contributed equally.)
- (20) Kentaro Ihara*, Noriko Fujiwara*, Yoshiki Yamaguchi, Hidetaka Torigoe, Soichi Wakatsuki, Naoyuki Taniguchi and Keiichiro Suzuki (2012). Structural switching of Cu,Zn-superoxide dismutases at loop VI: insights from the crystal structure of 2-mercaptoethanol-modified enzyme. *Bioscience Reports* **32**, 539-548. (*These authors contributed equally.)
- (21) Tamami Uejima*, Kentaro Ihara*, Mariko Sunada, Masato Kawasaki, Takashi Ueda, Ryuichi Kato, Akihiko Nakano and Soichi Wakatsuki (2013). Direct metal recognition by guanine nucleotide-exchange factor in the initial step of the exchange reaction. *Acta Crystallographica Section D* **69**, 345-351. (*These authors contributed equally.)
- (22) Jiahn-Haur Liao, Kentaro Ihara, Chiao-I Kuo, Kai-Fa Huang, Soichi Wakatsuki, Shih-Hsiung Wu and Chung-I Chang (2013). Structures of an ATP-independent Lon-like protease and its complexes with covalent inhibitors. *Acta Crystallographica Section D* **69**, 1395-1402.

学位論文

Kentaro Ihara (1999). Crystal structure of human RhoA complexed with a GTP analogue. A doctoral thesis submitted to Division of Structural Biology, Nara Institute of Science and Technology.

査読無しの雑誌で発表した論文

- (1) 伊原健太郎, 箱嶋敏雄 (1999). 低分子量 G 蛋白質の構造生物学. *蛋白質核酸酵素* **44**, 380-394.
- (2) 前崎綾子, 伊原健太郎, 箱嶋敏雄 (1999). G 蛋白質はいかにしてエフェクターを認識するか?. *細胞工学* **18**, 1459-1466.
- (3) Chung-I Chang, Kentaro Ihara, Yogarany Chelliah, Dominique Mengin-Lecreulx, Soichi Wakatsuki and Johann Deisenhofer (2005). Crystal structure of the ectodomain of *Drosophila* peptidoglycan-recognition protein LCa; a molecular basis of pattern recognition. *Photon Factory News* **23**, 18-22.
- (4) レオナルド シャバス, 伊原健太郎, 川崎政人, 若槻壮市 (2009). エフェクタータンパク質群による Rab27 取り込みへの構造的知見. *日本結晶学会誌* **51**, 334-339.

国際学会における発表

- (1) "Crystal structure of PHO4 bHLH domain-DNA complex." Toshiyuki Shimizu, Atsuki Toumoto, Kentaro Ihara, Masato Shimizu, Yoshimasa Kyogoku, Nobuo Ogawa, Yasuji Oshima and Toshio Hakoshima. In the 18th European Crystallographic meeting at Praha, Czech Republic, August 16, 1998.
- (2) "Crystal structure of human RhoA in a dominantly active form complexed with a GTP analogue." Kentaro Ihara, Sachiko Muraguchi, Masato Kato, Toshiyuki Shimizu, Masahiro Shirakawa, Shinya Kuroda, Kozo Kaibuchi and Toshio Hakoshima. In the 18th European Crystallographic Meeting at Praha, Czech Republic, August 16, 1998.
- (3) "Crystal structure of human RhoA(V14) complexed with GDP." Kentaro Ihara, Toshiyuki Shimizu, Shinya Kuroda, Kozo Kaibuchi and Toshio Hakoshima. In the 18th International Union of Crystallography Congress at Glasgow, United Kingdom, August 5, 1999.
- (4) "Crystallization and preliminary crystallographic analysis of fragmented human phospholipase C- β 3." Kentaro Ihara, Srinivasan Raghunathan, Ying Wang and Stephen R. Sprang. In the 2nd HFSP Second Awardees Annual Meeting at Ottawa, Canada, June 12, 2002.
- (5) "An abnormal intertwined dimer of Ara7 regulates its GDP/GTP cycle." Tamami Uejima, Kentaro Ihara, Ryuichi Kato, Satoshi Hirano, Noriyuki Igarashi, Hironari Kamikubo, Mikio Kataoka, Coh-ichi Nihei, Takashi Ueda, Akihiko Nakano, and Soichi Wakatsuki. In the 8th International Conference on Biology and Synchrotron Radiation at Himeji, Japan, September 9, 2004.
- (6) "Guanine nucleotide exchange intermediates of Rab5/Vps9." Kentaro Ihara, Tamami Uejima, Tatsuaki Goh, Emi Ito, Mariko Sunada, Takashi Ueda, Akihiko Nakano, and Soichi Wakatsuki. In the 2nd International Symposium on Diffraction Structural Biology 2007 in Tokyo, Japan, September 12, 2007.
- (7) "Vps9 assisted guanine nucleotide exchange intermediates of Rab5." Kentaro Ihara, Tamami Uejima, Tatsuaki Goh, Emi

Ito, Mariko Sunada, Takashi Ueda, Akihiko Nakano, and Soichi Wakatsuki. In the 21st Congress and General Assembly of the International Union of Crystallography at Osaka, Japan, August 24, 25, 2008.

(8) "Serial femtosecond crystallography at SACLA, Japan." Mamoru Suzuki, Yu Kitago, Eiichi Mizohata, Leonard M. G. Chavas, Francois-Xavier Gallat, Yusuke Yamada, Naohiro Matsugaki, Yoshiki Tanaka, Kentaro Ihara, Yumi Matsui, Ryo Nakatsu, Pan Dongqing, Kensuke Tono, Yasumasa Joti, Takashi Kameshima, Takaki Hatsui, Makina Yabashi, Eriko Nango, Rie Tanaka, and So Iwata. In the 2013 Annual Meeting of the American Crystallographic Association at Honolulu, United States of America, July 20-24, 2013.

国内学会における発表

- (1) 「*Bacillus thuringiensis* (Bt) が有する殺虫性蛋白質遺伝子の発現調節機構: *cryIVA* と *cryIVB* の転写調節の違い」伊原健太郎、吉末元、西本誠之、酒井裕、駒野徹 1994年度日本農芸化学大会 東京大学(駒場) 1994年4月2日発表
- (2) 「転写因子 PHO4 の構造と DNA 認識機構」東本篤樹、伊原健太郎、清水敏之、清水真人、京極好正、小川暢男、大嶋泰治、箱嶋敏雄 第34回日本生物物理学会年会 筑波研究センター(つくば) 1996年11月13日発表
- (3) 「活性型ヒト低分子量 G 蛋白質 RhoA^{V14} と GTP γ S との複合体の結晶構造」伊原健太郎、村口佐智子、加藤昌人、清水敏之、白川昌宏、黒田真也、貝淵弘三、箱嶋敏雄 第2回構造生物学シンポジウム 千里ライフサイエンスセンター(大阪) 1997年10月9日発表
- (4) 「活性型 RhoA(G14V)の結晶構造」伊原健太郎、村口佐智子、加藤昌人、清水敏之、白川昌宏、黒田真也、貝淵弘三、箱嶋敏雄 第35回日本生物物理学会年会 京都大学(京都) 1997年10月12日発表
- (5) 「活性型 RhoA と GTP アナログの複合体の結晶構造」伊原健太郎、村口佐智子、加藤昌人、清水敏之、白川昌宏、黒田真也、貝淵弘三、箱嶋敏雄 平成9年度日本結晶学会年会 金属材料研究所(つくば) 1997年11月13日発表
- (6) 「低分子量 G 蛋白質 RhoA と GTP アナログの複合体結晶構造」伊原健太郎、村口佐智子、加藤昌人、清水敏之、白川昌宏、黒田真也、貝淵弘三、箱嶋敏雄 第2回生体機能における金属イオンの特異的相互作用の分子科学ワークショップ 日本医科大学(東京) 1997年12月2日発表
- (7) 「活性型 RhoA^{G14V} の結晶構造」伊原健太郎、村口佐智子、加藤昌人、清水敏之、白川昌宏、黒田真也、貝淵弘三、箱嶋敏雄 第20回日本分子生物学会年会 京都国際会館(京都) 1997年12月19日発表
- (8) 「活性型ヒト低分子量 G 蛋白質 RhoA^{V14} の結晶構造解析:スイッチ機構とエフェクター認識について」伊原健太郎、加藤昌人、清水敏之、黒田真也、貝淵弘三、箱嶋敏雄 第36回日本生物物理学会年会 九州大学(福岡) 1998年10月2日発表
- (9) 「嫌気性センサー蛋白質 ArcB の Hpt ドメインに働くヒスチジン蛋白質ホスファターゼ SixA の結晶構造」浜田恵輔、加藤昌人、伊原健太郎、清水敏之、水野猛、箱嶋敏雄 第36回日本生物物理学会年会 九州大学(福岡) 1998年10月2日発表
- (10) 「GDP 型ヒト低分子量 G 蛋白質 RhoA^{V14} の結晶構造解析」伊原健太郎、清水敏之、前崎綾子、黒田真也、貝淵弘三、箱嶋敏雄 第37回日本生物物理学会年会 和光市市民ホール(和光) 1999年10月4日発表
- (11) 「マグネシウムイオン非存在下での GDP 型ヒト低分子量 G 蛋白質 RhoA^{V14} の結晶構造解析」伊原健太郎、清水敏之、前崎綾子、黒田真也、貝淵弘三、箱嶋敏雄 第22回日本分子生物学会年会 福岡ドーム(福岡) 1999年12月8日発表
- (12) 「PLC- β_3 の N 末端側ドメインの結晶構造解析」伊原健太郎、Srinivasan Raghunathan、Ying Wang、Stephen R. Sprang 平成15年度日本結晶学会年会 熊本交通会館(熊本) 2003年11月13日発表

- (13) 「シロイヌナズナ由来 Rab5 様低分子量 G タンパク質 Ara7 の立体構造解析」 上島珠美、伊原健太郎、加藤龍一、平野聡、五十嵐教之、上久保裕生、片岡幹雄、二瓶浩一、上田貴志、中野明彦、若槻壮市 第21回PFシンポジウム 高エネルギー加速器研究機構（つくば）2004年3月24日発表
- (14) 「低分子量 G タンパク質 Ara7 の立体構造解析」 上島珠美、伊原健太郎、加藤龍一、平野聡、五十嵐教之、上久保裕生、片岡幹雄、二瓶浩一、上田貴志、中野明彦、若槻壮市 第77回日本生化学会大会 パシフィコ横浜（横浜）2004年10月15日発表
- (15) 「放射光を用いた低エネルギーSAD による位相決定の評価実験」 五十嵐教之、伊原健太郎、佐藤匡史、山田悠介、松垣直宏、鈴木守、渡邊信久、若槻壮市 第18回日本放射光学会年会放射光科学合同シンポジウム サンメッセ鳥栖（鳥栖）2005年1月9日発表
- (16) 「放射光を用いた低エネルギーSAD による位相決定の評価実験」 五十嵐教之、伊原健太郎、佐藤匡史、山田悠介、松垣直宏、鈴木守、渡邊信久、若槻壮市 第22回PFシンポジウム 高エネルギー加速器研究機構（つくば）2005年3月17日発表
- (17) 「Rab5 様低分子量 G 蛋白質 Ara7 は二量体を形成する」 伊原健太郎、上島珠美、五十嵐教之、加藤龍一、平野聡、佐藤匡史、山田悠介、松垣直宏、鈴木守、渡邊信久、上久保裕生、片岡幹雄、二瓶浩一、上田貴志、中野明彦、若槻壮市 第5回日本蛋白質科学会年会 福岡国際会議場（福岡）2005年7月2日発表
- (18) 「シロイヌナズナ由来の Rab5 様低分子量 GTPase Ara7 の立体構造解析」 伊原健太郎、上島珠美、五十嵐教之、加藤龍一、平野聡、上久保裕生、片岡幹雄、上田貴志、中野明彦、若槻壮市 メンブレントラフィック第4回班会議 リゾートホテルオリピアン小豆島（香川）2006年11月23日発表
- (19) 「Ara7/AtVps9a 複合体の結晶構造解析」 上島珠美、伊原健太郎、郷達明、上田貴志、中野明彦、若槻壮市 メンブレントラフィック第4回班会議 リゾートホテルオリピアン小豆島（香川）2006年11月23日発表
- (20) 「植物細胞のエンドサイトーシスで働く Ara7/AtVps9a 複合体の結晶構造解析」 上島珠美、伊原健太郎、郷達明、上田貴志、砂田麻里子、伊藤瑛海、中野明彦、若槻壮市 第30回日本分子生物学・日本生化学合同大会年会 パシフィコ横浜（横浜）2007年12月13日発表
- (21) 「Crystal structures of ARA/VPS9」 伊原健太郎、上島珠美、郷達明、伊藤瑛海、砂田麻里子、上田貴志、中野明彦、若槻壮市 第25回PFシンポジウム 高エネルギー加速器研究機構（つくば）2008年3月19日発表
- (22) 「放射光を用いたショウジョウバエの自然免疫研究」 伊原健太郎 第5回つくばスパイラル対話シリーズ つくば国際会議場（つくば）2008年11月29日発表
- (23) 「ヌクレオチド交換過程におけるシロイヌナズナ Rab5/VPS9a の三者複合体の構造解析」 上島珠美、伊原健太郎、郷達明、上田貴志、砂田麻里子、伊藤瑛海、中野明彦、若槻壮市 第31回日本分子生物学学会年会・第81回日本生化学会大会 合同大会（BMB2008）神戸ポートアイランド（神戸）2008年12月11日発表
- (24) 「高エネルギー加速器研究機構・若槻グループの進捗状況」 上島珠美、伊原健太郎、川崎 政人、加藤 龍一、若槻 壮市 ターゲットタンパク研究プロジェクト・課題 A 基本的生命・小班会議 東京大学理学部2号館2階セミナー221号室（東京）2009年01月07日発表
- (25) 「2ME 化 SOD1 の結晶構造解析」 伊原健太郎、藤原範子、富本裕介、若槻壮市、谷口直之、鈴木敬一郎 第26回PFシンポジウム つくば国際会議場（つくば）2009年3月25日発表

- (26) 「ヌクレオチド交換過程における植物 Rab5/Vps9 複合体の結晶構造解析」 上島珠美、伊原健太郎、郷達明、伊藤瑛海、砂田麻里子、上田貴志、中野明彦、若槻壮市 第 26 回PFシンポジウム つくば国際会議場（つくば）2009 年 3 月 25 日発表
- (27) 「Rab27 と Exophilin4/Slp2-a の複合体結晶構造解析」 Leonard M.G. Chavas、伊原健太郎、川崎政人、鳥居征司、上島珠美、加藤龍一、泉哲郎、若槻壮市 第 26 回PFシンポジウム つくば国際会議場（つくば）2009 年 3 月 25 日発表
- (28) 「抗酸化能を獲得した 2-メルカプトエタノール修飾型 Cu,Zn-SOD の構造解析」 藤原範子、伊原健太郎、若槻壮市、谷口直之、鈴木敬一郎 第 82 回日本生化学会大会 神戸ポートアイランド（神戸）2009 年 10 月 23 日発表
- (29) 「ARA6/VPS9a の各種結晶構造」 伊原健太郎、上島珠美、上田貴志、中野明彦、若槻壮市 第 27 回PFシンポジウム つくば国際会議場（つくば）2010 年 3 月 09 日発表
- (30) 「低分子量 GTPase ARA6 と ARA7、及びグアニンヌクレオチド交換因子 VPS9a の立体構造解析」 伊原健太郎、上島珠美、郷達明、伊藤瑛海、砂田麻里子、上田貴志、中野明彦、若槻壮市 ターゲットタンパク研究プロジェクト・課題 A 基本的生命・班会議 ホテル北野プラザ六甲荘（神戸）2010 年 3 月 16 日発表
- (31) 「ARA6 と ARA7、及び VPS9a の立体構造解析」 上島珠美、伊原健太郎、伊藤瑛海、砂田麻里子、上田貴志、中野明彦、若槻壮市 ターゲットタンパク研究プロジェクト・課題 A 基本的生命・班会議 東京大学理学部2号館2階セミナー221 号室（東京）2010 年 10 月 20 日発表
- (32) 「グアニンヌクレオチド交換因子 VPS9a による金属認識」 伊原健太郎、上島珠美、砂田麻里子、伊藤瑛海、上田貴志、中野明彦、若槻壮市 平成 22 年度日本結晶学会年会 大阪大学コンベンションセンター（吹田）2010 年 12 月 05 日発表
- (33) 「グアニンヌクレオチド交換因子 VPS9a による低分子量 GTPase ARA7 の GDP/GTP 交換時に見られる中間体の解析」 上島珠美、伊原健太郎、伊藤瑛海、砂田麻里子、上田貴志、中野明彦、若槻壮市 第 33 回日本分子生物学会年会・第 83 回日本生化学会大会 合同大会（BMB2010）神戸ポートアイランド（神戸）2010 年 12 月 08 日発表
- (34) 「2-メルカプトエタノール修飾型 Cu,Zn-SOD の構造解析と安定性について」 藤原範子、伊原健太郎、鳥越 秀峰、小笹 哲夫、金田 薫、佐々木 澄美、山口 芳樹、若槻壮市、谷口直之、鈴木敬一郎 第 33 回日本分子生物学会年会・第 83 回日本生化学会大会 合同大会（BMB2010）神戸ポートアイランド（神戸）2010 年 12 月 09 日発表
- (35) 「金属結合型 Rab5/Vps9 の結晶構造解析」 伊原健太郎、上島珠美、砂田麻里子、伊藤瑛海、上田貴志、中野明彦、若槻壮市 第 24 回日本放射光学会年会放射光科学合同シンポジウム つくば国際会議場（つくば）2011 年 1 月 09 日発表
- (36) 「VPS9a は二価金属を認識する」 上島珠美、伊原健太郎、砂田麻里子、伊藤瑛海、上田貴志、中野明彦、若槻壮市 第 28 回PFシンポジウム つくば国際会議場（つくば）2011 年 7 月 12 日発表
- (37) 「SOD1 の結晶構造解析」 伊原健太郎、藤原範子、富本裕介、若槻壮市、谷口直之、鈴木敬一郎 第 28 回PFシンポジウム つくば国際会議場（つくば）2011 年 7 月 12 日発表

競争的資金の獲得（研究費付奨学金等）

平成 10 年(1998 年) 4 月 01 日 - 平成 12 年(2000 年) 3 月 31 日 日本学術振興会特別研究員

平成 12 年(2000 年) 6 月 01 日 - 平成 15 年(2003 年) 5 月 31 日 Human Frontier Science Program, Long-term Fellow

平成 12 年(2000 年)度 東洋紡百周年記念バイオテクノロジー財団長期研究助成に採用、上記と重複のため辞退